## 10/530347 Rec'd PCT/PTO 03 MAR 2006

20

## SEQUENCE LISTING

<110> Salonen, Jukka T

Tuomainen, Tomi-Pekka

Pirskanen, Mia

<120> DETECTING THE RISK OF CARDIOVASCULAR DISEASE BY DETECTING MUTATIONS IN GENES, INCLUDING GENES ENCODING A2B-ADRENOCEPTOR AND APOLIPOPROTEIN B

<130> 0933-0241PUS1

<140> US 10/530,347

<141> 2005-04-06

<160> 29

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1 .

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> APOB pcr primer F

<400> 1

gacaacctca atgctctgct

<210> 2

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> APOB pcr primer R

<400> tgactt	2 acct ggacatggct	20
<210>	3	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	APOB SNaPshot primer forward	
<400> ttttt	3 tttt tttgaagacc agccagtgca	30
<210>	4	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPPA pcr primer f	
<400> gccaag	4 agag gggaaccaga g	21
<210>	5	
<211>	22	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPPA pcr primer r	

<400> agtgag	5 caca gcatcagaaa gc	22
<210>	6	
<211>	35	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPPA SNaPshot primer reverse	
<400> ttttt	6 tttt tttttttaat cecatgtaca atgee	35
<210>	7	
<211>	19	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	DDAH1 IVS2-33C>T prc primer F	
<400>	7 cttt ctgcccttt	19
20000		
<210>	8	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	DDAH1 IVS2-33C>T prc primer r	

<400> aagcca	8 gtga agcgtaaaca c	2:
<210>	9	
<211>	40	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	DDAH1 IVS2-33C>T SNaPshot primer forward	
<400> tttttt	9 tttt ttttttttt ttgtacagtc actggtgcca	4 (
<210>	10	
<211>	22	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	FGB -455G>A pcr primer F	
<400>	10 caag tgaacagaca ag	22
<210>	11	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	FGB -455G>A pcr primer r	

	11 ctca aagagagatg	20
<210>	12	
<211>	45	
<212>	DNA .	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	FGB -455G>A SNaPshot oligo reverse	
<400> tttttt	12 tttt tttttttt tttttttc tatttcaaaa ggggc	45
<210>	13	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPY -52C>G pcr primer f	
<400> gttctct	13 tctg cgggactggg	20
<210>	14	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPY -52C>G pcr primer r	

<400> ctgccc	14 tggg atagagcgaa	20
<210>	15	
<211>	50	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
•		
	NPY -52C>G SNaPshot primer forward	
<400> tttttt	15 tttt tttttttt ttttttt ttgaggaggg aggtgctgcg	50
<210>	16	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	ADRA2B pcr primer f	
<400> gggtgt	16 ttgt ggggcatctc	20
<210>	17	
<211>	19	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	ADRA2B pcr primer r	

tggcac	tgcc tggggttca	19
<210>	18	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	Description of Artificial sequence: PCR primer	
<400> gagcct	18 gggt tcttgggttt c	21
<210>	19 .	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	CBS prc primer r	
<400> ggttgt	19 ctgc tccgtctggt 't	21
<210>	20	
<211>	25	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	snapshot primer cbs forward	
	•	

<400> 20

ttttttccgc gccctctgca gatca 25			
<210> 21			
<211> 22			
<212> DNA			
<213> Artificial Sequence			
<220> <223> LPL pcr primer F			
<400> 21 cgctccattc atctcttcat cg 22			
cgctccattc atctcttcat cg 22			
<210> 22			
<211> 22			
<212> DNA			
<213> Artificial Sequence			
<220> <223> LPL pcr primer R			
<400> 22 cccctatca acagaaacac ca 22			
<210> 23			
<211> 55			
<212> DNA <213> Artificial Sequence			
<213/ Altilitial Sequence			
<220> <223> LPL SNaPShot primer			
<400> 23 ttttttttt ttttttttt ttttttttt tttttttt			

<210>	24		
<211>	21		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220> <223>	ITGB3 pcr primer F		
<400>	24	0.1	
gcagga	ggta gagagtcgcc a	21	
<210>	25 .		
<211>	21		
<212>	AND	•	
<213>	Artificial Sequence		
<220> <223>	ITGB3 pcr primer R		
<400>	25	21	
gggcacagtt atccttcagc a 21			
<210>	26		
<211>	60		
<212>	DNA		
<213>	Artificial Sequence		
<220> <223>	ITGB3 SNaPshot primer reverse		
<400>	26		

<210>	27 .	
<211>	22	
<212>	DNA	•
<213>	Artificial Sequence	
<220>	NDDA E	
<b>\</b> 223>	NPPA pcr primer F	
<400>		
	27 gttc atattcctcc cc	22
<01.0×	20	
<210>	28	
<211>	20	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPPA pcr primer R	
<400>	28	
agcctc	ttgc agtctgtccc	20
<210>	29	
<211>	65	
<212>	DNA	•
<213>	Artificial Sequence	
<220> <223>	NPPA SNaPshot primer reverse	
	•	
<400>	29 tttt ttttttttt tttttttt tttttttt tttttt	60

tcttc